

МОДЕЛЮАЦИЯ *NOTI*-STSs КАК МЕТОД ПОИСКА И ЛОКАЛИЗАЦИИ ГЕНОВ НА ПРИМЕРЕ ХРОМОСОМЫ 3

авторству хакима сагитова ЧЕЛОВЕКА

исследований в области геномики и генетики высших

животных Рахманалиев Э.Р., Компанийцев А.А., Мойсяк Е.В.,

Климов Е.А., Удина И.Г., Сулимова Г.Е.

института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва

входите в проект геномного анализа человека, в котором

одно из основных достижений современной геномики –

создание единых клонотек, единых международных баз данных и интегрированных карт хромосом человека. В рамках программы "Геном человека" построена *NotI*-карта хромосомы 3 на основе цитогенетических методов. *NotI*-карты хромосом человека представляют особый интерес, поскольку сайты узнавания рестриктазы *NotI* расположены в геноме человека относительно равномерно и более 80% сайтов *NotI* встречаются в 5'-нетранслируемых областях генов. Это позволяет считать *NotI*-карту генной картой человека, не уступающей по информативности EST-картам.

Физическую отлокализацию *NotI*-STSs определяли методом PCR-скрининга коммерческой панели радиационных гибридов соматических клеток (человек/хомяк) GeneBridge4 (RH-картирование). Полученная *NotI*-карта была совмещена с другими физическими картами хромосомы 3 человека. Метод RH-картирования позволяет это сделать, поскольку он дает информацию не только о локализации и порядке расположения маркеров в хромосоме, но и о физических расстояниях между ними, а RH-карты совмещены со всеми типами карт хромосом человека. При построении физической *NotI*-карты, кроме данных по RH-картированию, нами использованы данные о физических расстояниях между *NotI*-клонами на основе ранее полученных контигов из области 3р21-р22 (физическое положение контигов на RH-карте определяли с помощью картирования одного или двух *NotI*-STSs, входящих в контиги),

а также данные по RH-картированию последовательностей с высоким уровнем идентичности к конкретным *No_I-STSs* (при наличии таких сведений в базах данных).

Построенная нами физическая *No_I-карта* хромосомы 3 человека включает 59 *No_I-STSs*, из которых 45 являлись маркерами генов и 9 – маркерами не идентифицированных ESTs человека. На основе полученных данных по RH-картированию *No_I-STSs* нами построена интегрированная карта хромосомы 3 человека и локализованы 14 новых генов человека. Из них для двух генов впервые определена их локализация в геноме человека, для шести генов, ранее локализованных на других хромосомах, впервые показано наличие их гомологов на хромосоме 3, еще для шести генов с известной цитогенетической локализацией впервые установлена их физическая локализация. Полученные результаты указывают на высокую эффективность использования *No_I-STSs* для локализации генов человека при наличии интегрированных *No_I-карт* хромосом человека.

Настоящая работа выполнена при финансовой поддержке ПП ФЦНП “Геном человека”, Российского фонда фундаментальных исследований (грант 00-15-97777) и ФЦП “Интеграция” (проект 2.1-А0077).